

Rettelser til rapporten *En genetisk karakteristisk af Agersø-kvæget*

s.7, linie 17, s.12, linie 6 og 10, s.14, linie 28

Nei's standard distance, D_A (Nei, 1972) ændres til Nei's D_A distance (Nei, 1983).

s. 9

Den sekventielle *Bonferroni korrektion* blev anvendt til at estimere det globale (*tabel-wide*) signifikansniveau for multiple test (Rice, 1989 og Holm, 1979). Denne blev bestemt til

$$\alpha' = \frac{\alpha}{k} = \frac{0,05}{29} = 0,001724$$

Ved anvendelse af dette globale signifikansniveau fremgik det, at de først antaget signifikante F_{IS} værdier for Agersø-kvæget og RDM-70 i henholdsvis tabel 4a og 4b ikke er signifikante efter *Bonferroni korrektionen*. Diskussionen vedrørende grunden til de observerede afvigelse fra Hardy-Weinberg ligevægt for Agersø-kvæget og RDM-70 er således baseret på en forkert antagelse. Der er således *ikke* et statistisk belæg for at postulere udkrydsning hos Agersø-kvæget, og en indre struktur i RDM-70 besætningen. For anvendelsen af *Bonferroni korrektionen* i lignende problemstillinger se Olsen (2001), Mateus (2003), Nyakaana (2002) og Muwanika (2003).

Taksigelser

Carlsen-Langes Legatstiftelse

Ellen, Christian Og Anders Petersens Fond

Vi beklager rettelserne.

Referencer

Holm, S. 1979. A simple sequentially rejective multiple test procedure. *Scandinavian journal of Statistics*. 6 :56-70

Mateus, J. C.; Penedo, M. C. T.; Alves, V. C.; Ramos, M.; Rangel-Figueiredo, M. T. 2004. Genetic diversity and differentiation in Portuguese cattle breeds using microsatellites. *Animal Genetics*. 35: 106-113

Muwanika, V.B.,S. Nyakaana, H.R. Siegismund and P. Arctander. 2003. Phylogeography and population structure of the common warthog (*Phacochoerus africanus*) inferred from variation in mitochondrial DNA sequences and microsatellite loci. *Heredity*. 91: 361-372

Nei, M. 1972. Genetic distance between populations. *American Naturalist* 106: 283–291.

Nei, M., Tajima, F., and Tateno, Y. 1983. Accuracy of estimated phylogenetic trees from molecular data. *J. Mol. Evol.* 19: 153-170.

Nyakaana S., P. Arctander and H. R. Siegismund. 2002. Population structure of the African savannah elephant inferred from mitochondrial control region sequences and nuclear microsatellite loci. *Heredity*. 89: 90–98.

Olsen, K. and B. Schaal. 2001. Microsatellite variation in Cassava (*Manihot esculenta*, Euphorbiaceae) and its wild relatives: Further evidence for a southern Amazonia origin of domestication. *Amer. J. Botany*. 88: 131-142.

Rice, WR. 1989. Analyzing tables of statistical tests. *Evolution*. 43: 223–225.

